PCA 主成分分析 解説書

1. 主成分分析の目的

平均偏差(変数と平均の差)の分散が最も大きくなるようにしたものによって、評価したい時。

例えば、

- ① 生理学的な systemic noise を低減し、activation pattern を抽出します。
- ② 他のバイオマーカー測定値と相関する成分を抽出し、波形を復元します。
- ③ 同一被験者の複数タスク間の相似性、非相似性を確認します。

2. 分析手法(分散の最大化)

手法としては3種類有ります。特異値分解法(SVD,Singular Value Decomposition、文献1)、 共分散行列の固有値分解法(EIG,Eigenvalue Decomposition of the covariance matrix、文献2)と交互最小2乗法(ALS,Alternating Least Squares)です。

EIG は、信号数 p よりサンプル数 n が大きい場合、SVD より処理速度が速くなりますが、精度は落ちると言われています。

本ツールでは、SVD を採用します。

3. SVD 法

「線形代数 基礎と応用、新井仁之、日本評論社」のページ326から抜粋しています。

 x_{ij} は n 行 p 列の測定データ(n はサンプル数、p は信号チャネル数)とし、 w_{ij} は係数(方向比)とすると、

次の式であらわされる z を主成分とします。m は主成分の数 (m≤p<n)。

$$z_1 = w_{11}x_{11} + w_{12}x_{12} + \cdots + w_{1j}x_{1j} + \cdots + w_{1p}x_{1p}$$

 $z_2 = w_{21}x_{21} + w_{22}x_{22} + \cdots + w_{2j}x_{2j} + \cdots + w_{2p}x_{2p}$

$$z_i = w_{i1}x_{i1} + w_{i2}x_{i2} + \cdots + w_{ij}x_{ij} + \cdots + w_{ip}x_{ip}$$

$$z_m = w_{m1}x_{m1} + w_{m2}x_{m2} + \cdots + w_{mj}x_{mj} + \cdots + w_{mp}x_{mp}$$

 \mathbf{z} の分散が最大化する(データのばらつきを最も良く表す)係数 \mathbf{w}_{ij} を算出すれば、主成分が求まります。

次の平均偏差行列

$$\tilde{X} = \begin{bmatrix} x_{11} - \frac{\sum_{i=1}^{n} x_{i1}}{n} & \cdots & x_{1p} - \frac{\sum_{i=1}^{n} x_{ip}}{n} \\ \vdots & \ddots & \vdots \\ x_{n1} - \frac{\sum_{i=1}^{n} x_{i1}}{n} & \cdots & x_{np} - \frac{\sum_{i=1}^{n} x_{ip}}{n} \end{bmatrix}$$

の特異値分解をします。 $ilde{X}$ の特異値を

$$\sigma_1 \ge \sigma_2 \ge \sigma_3 \ge \cdots \ge \sigma_p \ge 0$$

とします。

この時、特異値分解

$$\tilde{X} = \sum_{j=1}^{p} \sigma_j \, \boldsymbol{u}_j \boldsymbol{w}_j^T$$

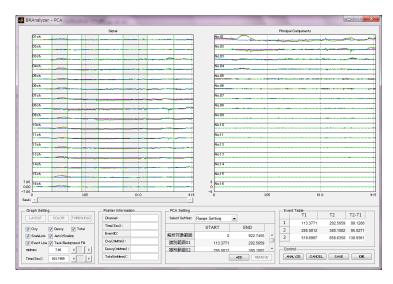
を与えるような実数 R の R^n の正規直交基底 $\{u_1,\cdots,u_n\}$ と R^p の正規直交基底 $\{w,\cdots,w_p\}$ が存在します。

 w_j を第j主成分ベクトル、 $(x_n - x, w_j)$ を個体nの第j主成分得点 ((平均偏差行列) * (固有ベクトル) = 主成分得点)と言います。

4. 任意の主成分を除去した後の波形復元

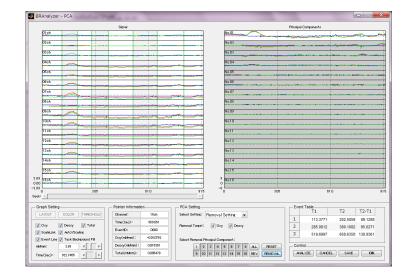
任意の主成分を除去したい場合、主成分得点の図から除去したい成分を選択しますと、その主成分得点の列の値は0となります。

(修正後の波形) = (修正後の主成分得点) * (固有ベクトル)の逆行列 を計算することに拠り、任意の主成分を除去した後の波形復元が可能となります。

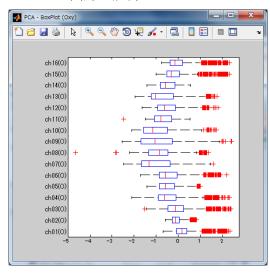


左図は原波形で、右図は主成 分得点の図です。

例えば、1次の主成分得点の み残し、他成分を削除しまし て波形を復元しますと、下図 の波形を得ます。

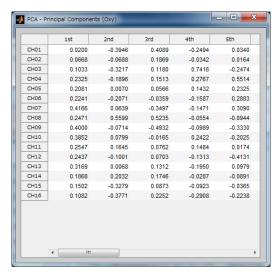


5. PCA 出力の説明



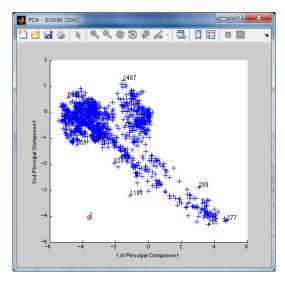
(1) ボックスプロット図

関数 boxplot(X) は、X のデータの箱ひげ図を作成します。X が行列の場合は、列ごとに 1 つのボックスがあり、X がベクトルの場合は、ボックスが 1 つだけあります。各ボックスにおいて、中心の印は中央値で、ボックスのエッジは25 と 75 の百分位数です。ひげはアルゴリズムが外れ値でないと考慮する最極のデータ点に伸びます。



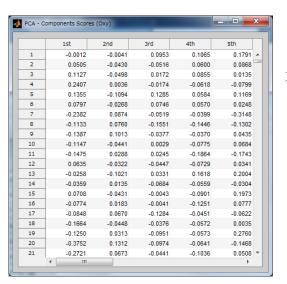
(2) 主成分係数ベクトル

主成分係数ベクトル(固有ベクトル、直交行列)の表です。



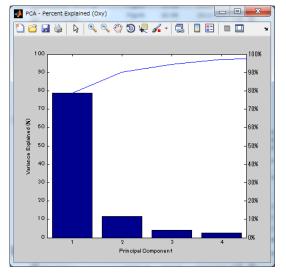
(3) 主成分得点図

サンプル数 n の最初の点から最後の点までの、各サンプルの1次主成分得点と2次主成分得点の点を図示します。カーソルを持っていきますと、何番目かの番号が表示されます。赤丸は最初の点を表します。



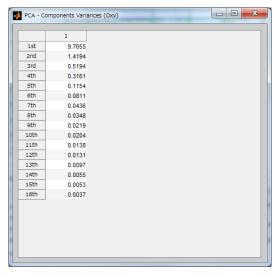
(4) 主成分得点の表

1次から 16次までの主成分得点の表です。横方向が次数で、縦方向がサンプル数です。



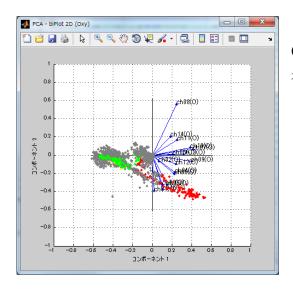
(5) 主成分の割合図

各主成分の寄与率の図です。

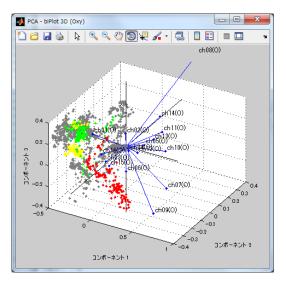


(6) 各主成分の分散表

各主成分によって説明される分散の表です。



(7)2次元座標(1次、2次)表示の各信号 (ch)の主成分係数と全測定値の主成分得点を表示



(8)3次元座標(1次、2次、3次)表示の 各信号(ch)の主成分係数と全測定値の主成分得 点を表示

各タスクで色を変えていますので、タスク間の 比較が可能となります。

以上

[参考文献]

- 1. 「線形代数 基礎と応用」、新井仁之、日本評論社(2006)
- 2. 「入門はじめての多変量解析」石村貞夫、東京図書(2007)
- 3.「主成分分析」MATLAB (2013a)